**Model pro predikci půdní diverzity bakterií a archaeí.**

**Autoři:** Kopecký J., Omelka M., Tejnecký V., Vaníček J., Marečková, M.

**Popis modelu**

Model se snaží o zjednodušení hodnocení půdní biodiverzity pro účely ochrany přírody. Půdní biodiverzita je při ochraně opomíjena, i když má velký význam a jedním z důvodů je i relativní obtížnost jejího hodnocení. Model toto hodnocení zjednodušuje. Model bude aktualizován z dat roku 2024, kdy odebereme další lokality a doměříme některé proměnné, chemické i biologické.

**Sestavení modelu** (Doc. Ing. Marek Omelka, Ph.D. MFF UK)

Jako odezvu (vysvětlovanou proměnnou) jsme si v této prvotní fázi zvolili počet “druhů” resp. sekvenčních variant prokaryotních organismů nalezených v daném vzorku (dále značeno "P\_sobs"). Jako vysvětlující (predikující) proměnné jsme pak měli k dispozici.

*Kategorické proměnné*

1. Půdní horizont - s možnostmi A, B, FH.

2. Typ místa – cesta ("c"), hospodářský les ("h")

a starobylý les ("s").

*Numerické proměnné:*

3. pH půdy měřeno třemi různými způsoby – pH(H20), pH(CaCl2), pH(BaCl2)

4. Koncentrace kationtů - Al3+, Ca2+, Fe3+, K+, Mg2+, Mn2+, Na+, H+

5. Souhrnné ukazatele kationtů - BC, EA, CEC, BS

6. Množství organického uhlíku v % Cox

K predikci jsme použili mnohorozměrnou lineární regresi (Zvára, 2008), která se pro svou univerzalitu a jednoduchost dobře hodí pro tyto druhy problémů, kdy nemáme představu o funkčním vztahu mezi odezvou a vysvětlujícími proměnnými. Výpočty jsme pak prováděli ve statistickém výpočetním prostředí R (R Core Team, 2023).

Hledali jsme model, který je na jednu stranu co nejjednodušší, tj. neobsahuje vysvětlující proměnné, které statisticky významně nepřispívají k vysvětlení odezvy. Na druhou stranu však má co nejlepší prediktivní schopnost měřeno modifikovaným R^2, které lze interpretovat jako procento vysvětlené variability odezvy.

**Při hledání modelu jsme zjistili následující:**

1. Veličiny měřící pH, tj. pH(H20), pH(CaCl2) a pH(BaCl2) nesou velmi podobnou informaci a v modelu nám stačí pouze jedna z těchto veličin. Kvalita modelu je přitom velmi podobná, ať je v ní kterákoliv z těchto veličin.

2. Podobně veličiny měřící celkové množství kationtů BC, EA, CEC, BS nesou velmi podobnou informaci a v modelu lze použít téměř kteroukoliv z těchto veličin, přičemž kvalita modelu je srovnatelná.

3. Veličiny měřící pH a veličiny měřící celkové množství kationtů jsou silně korelované. Zahrnutí např. BS v okamžiku, kdy už je v modelu např. pH(H20), zlepšuje model již jen o pár procent (viz níže).

4. Veličiny měřící celkové množství kationtů BC, EA, CEC, BS jsou lepšími prediktory než jednotlivé kationty. Navíc se neukazuje jako přínosné zahrnutí některých jednotlivých kationtů v okamžiku, kdy tam již máme některou z proměnných BC, EA, CEC nebo BS.

5. Význam veličiny "Cox" je ve srovnání s pH a souhrnnými ukazateli kationtů. Přínos je malý, nicméně data naznačují, že pro vyšší rozsah výběru by jeho přínos k vysvětlení odezvy již mohl být statisticky významný.

**Vývoj analýzy dat**

**I. Model využívající pouze pH**

Jelikož kvůli stále běžícím laboratorním analýzám máme relativně více chybějících dat pro veličiny pH(BaCl2), BC, EA, CEC, BS, tak jsme se nejdříve rozhodli pro model pouze s proměnnými horizont, typ místa a pHH20 (použití pHCaCl2 místo pHH20 by dalo v podstatě stejně dobrý model). Jelikož se ukázalo, že vliv pHH20 je statisticky významně různý pro různé kombinace dvojic horizont a typ místa, tak pro predikci P obs (jsme dospěli k modelu

predikce P sobs = a + b \* pH(H20)

kde koeficienty a (absolutní člen) a b (směrnice) lze nalézt v následující tabulce. Řádek přitom udává horizont a typ místa.

a b

A-c 1529.4 320.24

A-h -654.8 681.66

A-p -589.9 685.56

B-c 1552.3 179.15

B-h 1068.4 281.44

B-p 1189.6 253.20

FH-c -1042.5 895.97

FH-h 165.7 499.13

FH-p -1891.7 999.15

Tento model vysvětluje cca 54 % variability prokaryotni diverzity P\_sobs.

**II. Model využívající jak pH tak koncentrace kationtů**

Níže popsaný y model vysvětluje cca 58% variability, což je drobné zlepšení oproti modelu I. Důvodem je to, že veličiny měřící pH a veličiny BC, EA, CEC, BS jsou silně korelované a nesou do značné míry podobnou informaci.

predikce P\_sobs = b0 + b1 \* pHBaCl2 + b2 \* EA,

kde koeficienty a (absolutní člen) a b (směrnice) lze nalézt v následující tabulce. Řádek přitom udává horizont a typ místa.

b0 b1 b2

A-c 3317.2 67.72 -6.64

A-h 1114.9 443.86 -6.64

A-p 970.7 505.32 -6.64

B-c 2410.1 67.72 0.35

B-h 672.5 443.86 0.35

B-p 463.7 505.32 0.35

FH-h 1355.8 443.86 -9.51

FH-p 1552.0 505.32 -9.51

Model v podstatě stejné kvality (ve smyslu vysvětlené variability odezvy) by se získal, pokud by se místo pH(BaCl2) uvažovalo pH(H20) nebo pH(CaCl2) a místo EA pak BS, BC nebo i CEC.

Podrobnější analýzy naznačují, že v budoucnu asi půjde model vylepšit zahrnutím koncentrace konkrétní kationtů. K tomu však bude zapotřebí větší rozsah dat.

**III. Model pro predikci prokaryotní diverzity s využitím proměnné horizont**

Jednoduchý model, který nevyužívá proměnné BC, CES a BS by byl:

predikce P\_sobs = a + b \* pH(H20)

kde koeficienty a (absolutní clen) a b (smernice) lze nalezt v nasledujici tabulce.

Radek pritom udava horizont a site.

a b

A-c 1529.4 320.24

A-h -654.8 681.66

A-p -589.9 685.56

B-c 1552.3 179.15

B-h 1068.4 281.44

B-p 1189.6 253.20

FH-c -1042.5 895.97

FH-h 165.7 499.13

FH-p -1891.7 999.15

Vysvětlená variabilita je cca 54 %.

Možná by mohlo být zajímavé, že nejmenší "b" jsou pro horizont B. Tj. v tomto horizontu je P\_sobs nejméně citlivá na pH(H20)

**IV. Model pro predikci prokaryotní diverzity s využitím BC, CEC, BS**

Níže popsaný model vysvětluje cca 57% variability, což oproti modelu pouze s pH(H20) zase není žádné zásadní zlepšení.

predikce P\_sobs = b0 + b1 \* pH(H20) + b2 \* BS,

b0 b1 b2

A-c 2683.5 132.75 1.22

A-h 166.1 490.85 1.22

A-p -453.3 648.85 1.22

B-c 2433.2 132.75 -5.91

B-h 396.1 490.85 -5.91

B-p -328.2 648.85 -5.91

FH-h -671.9 490.85 10.70

FH-p -914.4 648.85 10.70

Tady možná stojí za pozornost, že u horizontu B se vliv pH(H20) a BS navzájem do určité míry vyrušuje.

Poznamky:

\* Místo BS lze použít BC či CEC. Rovnice by byly trochu jiné, ale kvalita modelu ve smyslu

vysvětlené variability podobná.

\* Místo pH(H20) lze použít pH(BaCl2) nebo pH(CaCl2). Rovnice by byly trochu jiné, ale kvalita modelu ve smyslu vysvětlené variability podobná.

\* Přidávání samostatnych prvků jako např. Mg2, Fe3,... model významně nezlepšuje.

**Použitá literatura:**

*R Core Team (2023). R : A Language and Environment for Statistical Computing, R Foundation for Statistical Computing, Vienna, Austria.*

*Zvára, K. (2008). Regrese. Matfyzpress, Praha. ISBN 978-80-7378-041-8.*